

平成26年度 国際共同研究 採択課題一覧

No.	研究課題	国際共同研究員氏名	国際共同研究員所属	所属機関 所在国	蛋白質研究所 担当研究室
1	Structural dynamics of calredoxin, a novel EF-hand and thioredoxin domain protein from <i>Chlamydomonas reinhardtii</i>	Hippler Michael	University of Münster, Institute of Plant Biology and Biotechnology	ドイツ	蛋白質結晶学 研究室
2	Structure of N-terminal amidase Ntal involved in the first step of N-end rule pathway	Song Hyun Kyu	Division of Life Science, Korea University	韓国	超分子構造解析学 研究室
3	Structural studies of a glycoside hydrolase family 116 beta-glycosidase from a thermophilic bacterium as a model for the human GBA2 glucocerebrosidase.	Ketudat Cairns	Suranaree University of Technology Institute of Science	タイ	蛋白質結晶学 研究室
4	Comprehensive protein dynamics study using NMR spectroscopy	Ishima Rieko	Dept. of Structural Biology, University of Pittsburgh School of Medicine	アメリカ	構造機能計測学 研究室
5	Structural studies of Glutamyl-tRNA synthetase [GlnRS] from hyperthermophilic <i>Thermus thermophilus</i> HB8.	Jeyaraman Jeyakanthan	Department of Bioinformatics Alagappa University	インド	超分子構造解析学 研究室
6	Analysis of the role of Holliday Junction processing Proteins in Msh4-Msh5 mediated crossover pathway	Koodali Thazath , Nishant	Indian Institute of Science Education and Research TVM	インド	ゲノム-染色体機能 研究室
7	Controlling Reversible Self-Assembly Path of Amyloid Beta Peptide Adsorbed on the Nanogold Colloids.	Yokoyama Kazushige	The State University of New York Geneseo College, USA	アメリカ	蛋白質構造形成 研究室
8	Analysis of in vivo functional roles of microRNA let-7, a tumor suppressor	Tin Tun	Perdana University Royal College of Surgeons in Ireland SOM	マレーシア	分子発生学 研究室
9	Crystal structures of key proteins and complexes involved in two-component regulatory systems in <i>Pseudomonas aeruginosa</i> for the regulatory mechanism	Chen Chun-Jung	Life Science Group, Scientific Research Division, National Synchrotron Radiation Research Center, Hsinchu, Taiwan	台湾	超分子構造解析学 研究室
10	Characterisation of DNMT1-interacting RNAs	Stadler Peter F.	University Leipzig, Department of Computer Science, Bioinformatics	ドイツ	エピジェネティクス 研究室
11	Development and application of magic-angles spinning solid-state NMR techniques to study the structure and dynamics of biomacromolecular systems	Ramamoorthy Ayyalusamy	University of Michigan	アメリカ	構造機能計測学 研究室
12	A Multi Pathway Perspective on Protein Aggregation: Implications for the Regulation of the Rate and Extent of Amyloid Formation	Hall Damien	Australian National University	オーストラリア	蛋白質構造形成 研究室
13	Mechanism of aberrant protein aggregation	Kardos József	Department of Biochemistry, Institute of Biology, Eötvös Loránd University	ハンガリー	蛋白質構造形成 研究室
14	Structural characterization of VP37 protein from white-spot syndrome virus (WSSV)	Khunrae Pongsak	Department of Microbiology, King Mongkut's University of Technology Thonburi	タイ	超分子構造 解析学研究室
15	In planta study on the function of engineered photosynthetic type of sucrose-phosphate synthase from sugarcane ( <i>Saccharum officinarum</i> L.)	SUGUHARTO, BAMBANG	CDAST, Jember University	インドネシア	生体反応統御研究室
16	Functions of SM (Sec1/Munc-18) proteins in SNARE-mediated vesicle docking and fusion	Merz, Alexey Jarrell	University of Washington, Department of Biochemistry	アメリカ	膜蛋白質化学 研究室

No.	研 究 課 題	国際共同研究員氏名	国際共同研究員所属	所属機関 所在国	蛋白質研究所 担当研究室
17	Structural Studies on the transient macromolecular complexes formed upon photoacclimation	Nield, Jonathan Michael	Queen Mary, University of London School of Biological and Chemical Science	イギリス	蛋白質 結晶学研究室
18	Structural Studies on vriuses with X-ray lasers and electron microscopy	HAJDU Janos	Uppsala university	スウェーデン	超分子構造 解析学研究室